

## 骨髓提供希望登録者のHLA型遺伝子頻度(HLA-A)

N=587,057

No.	Allele	GF(%)
1	01:01	0.441
2	01:02	<0.001
3	01:03	<0.001
4	02:01	11.222
5	02:02	<0.001
6	02:03	0.056
7	02:05	0.003
8	02:06	9.441
9	02:07	3.250
10	02:10	0.427
11	02:11	<0.001
12	02:13	<0.001
13	02:15N	0.007
14	02:17	<0.001
15	02:18	0.060
16	02:22	<0.001
17	02:28	0.002
18	02:41	<0.001
19	02:42	0.002
20	02:48	<0.001
21	02:53N	0.008
22	02:54	<0.001
23	02:59	0.001
24	02:61	<0.001
25	02:70	<0.001
26	02:71	<0.001
27	02:72	0.001
28	02:73	<0.001
29	02:76	<0.001
30	02:80	<0.001
31	02:110	<0.001
32	02:112	<0.001
33	02:136	<0.001
34	02:142	<0.001
35	02:143	<0.001
36	02:144	<0.001
37	02:146	<0.001
38	02:191	<0.001
39	02:247	<0.001
40	02:248	<0.001
41	02:300	<0.001
42	02:301N	<0.001
43	02:356N	<0.001
44	02:437Q	<0.001
45	02:438	<0.001
46	02:474	<0.001
47	02:801	<0.001
48	03:01	0.435
49	03:02	0.083
50	03:72	<0.001

No.	Allele	GF(%)
51	11:01	8.906
52	11:02	0.163
53	11:13	0.001
54	11:19	<0.001
55	11:24	<0.001
56	11:33	<0.001
57	11:56	<0.001
58	11:93	<0.001
59	11:162	<0.001
60	23:01	0.004
61	24:02	36.262
62	24:03	0.001
63	24:04	0.019
64	24:05	0.001
65	24:07	0.011
66	24:08	0.026
67	24:10	0.002
68	24:11N	<0.001
69	24:13	<0.001
70	24:20	0.770
71	24:25	0.007
72	24:28	0.001
73	24:30	<0.001
74	24:33	0.001
75	24:46	0.006
76	24:62	<0.001
77	24:63	<0.001
78	24:71	<0.001
79	24:84N	<0.001
80	24:87	<0.001
81	24:88	<0.001
82	24:130	<0.001
83	24:133	<0.001
84	24:134	<0.001
85	24:164	<0.001
86	24:183N	<0.001
87	24:212	<0.001
88	24:432	<0.001
89	25:01	0.001
90	26:01	7.609
91	26:02	1.860
92	26:03	2.505
93	26:04	0.001
94	26:05	0.065
95	26:06	0.014
96	26:17	<0.001
97	26:18	<0.001
98	26:20	<0.001
99	26:22	<0.001
100	26:43	<0.001

## 骨髄提供希望登録者のHLA型遺伝子頻度(HLA-A)

N=587,057

No.	Allele	GF(%)
101	26:52	<0.001
102	26:64	<0.001
103	26:78	<0.001
104	26:176	<0.001
105	29:01	0.016
106	29:02	0.003
107	30:01	0.177
108	30:02	0.002
109	30:04	0.012
110	30:18	<0.001
111	30:33	<0.001
112	31:01	8.631
113	31:05	<0.001
114	31:10	<0.001
115	31:11	0.003
116	31:24	<0.001
117	31:29	<0.001
118	31:34	<0.001
119	31:101	<0.001
120	32:01	0.030
121	33:01	0.002
122	33:03	7.382
123	33:05	<0.001
124	33:08	0.001
125	33:11	<0.001
126	33:62	<0.001
127	34:01	0.009
128	34:02	<0.001
129	34:05	<0.001
130	36:01	<0.001
131	66:01	<0.001
132	66:02	<0.001
133	66:03	<0.001
134	68:01	0.017
135	68:02	<0.001
136	69:01	<0.001
137	74:01	<0.001
138	80:01	<0.001

- ・HLAタイピングは、r-SSO法(蛍光ビーズ)およびSBT法を用いている。
- ・遺伝子頻度(GF)は、カウント法で算出した。
- ・遺伝子頻度算出に用いたAlleleは、日本で最も可能性の高いAlleleを用いている。

※ A\*02:15NのGF値について

A\*02:15Nが検出可能となった375,810件のデータから算出した。